基因片段分析

活動快訊

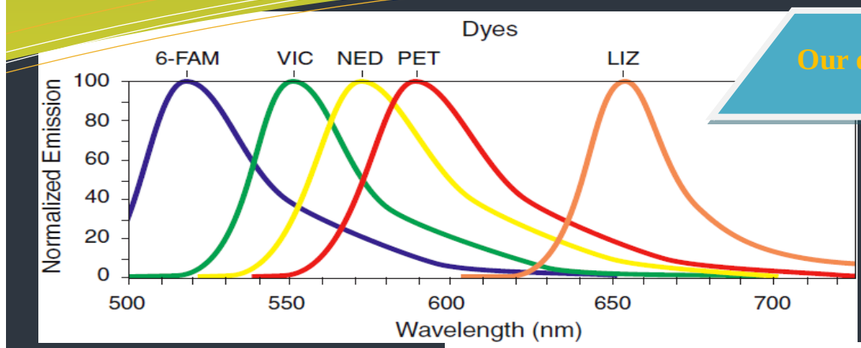
• 第一共研新增基因片段上機分析服務，新購分析軟體 GeneMapperV4.1，近期將舉辦應用講座，將公告在本核心實驗室網站，歡迎來電洽詢。

• ”新會員優惠專案”內容:

1. 優惠對象：新開通帳號之台大各單位研究計畫主持人(包含醫院)。
2. 優惠時間：即日起 ~ 102 年 5 月 31 日
3. 優惠內容：凡於上述優惠期間來電開通預約帳號，並完成送件，贈送 10 個免費定序(須於註冊後一個月內使用完畢)。

服務宗旨

研發分處第一共研建置核酸定序核心實驗室的目的:在提供醫學院區所有的研究同仁方便與即時的定序服務，只要透過第一共研與台大計資中心共同開發出來的網路線上預約系統，即可適時、迅速地獲取核酸定序的結果，並且有效協助實驗室負責人在定序資訊的管理作業。我們所有的工作人員竭誠歡迎大家多多利用核酸定序核心實驗室，讓您的研究更順利、豐碩，您的所有建議都將是我們努力的目標。



本期重點

基因片段分析的應用

操作流程

送件須知

Workflow

1. Design the primers and select the primer dye set.
2. PCR (We need at least 3 μL of each reaction)

(Shown below is our services)

3. Capillary electrophoresis. ABI 3730*x*/ analyzer
4. Data analysis. GeneMapperV4.1

➢ We provide GeneScan™ 600 LIZ® v2.0 Size Standards

Fragment Analysis Application

General Sizing of PCR Products

Fragment Length/Number Polymorphism

Amplified Fragment Length Polymorphisms (AFLP Technologies)

Restriction Fragment Length Polymorphisms (RFLPs/tRFLPs)

Large-Fragment Analysis

BAC Fingerprinting/Restriction

Microsatellite/STR Genotyping

Linkage Mapping

Microsatellite Instability (MSI)/Replication Error (RER)

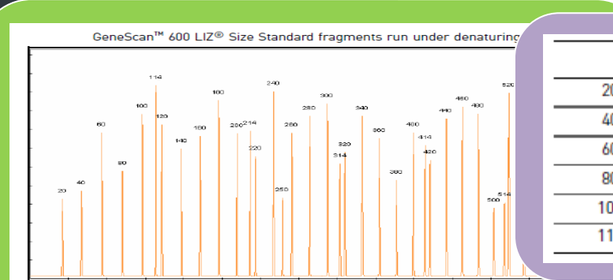
Relative Fluorescence Quantitation

Loss of Heterozygosity (LOH)

Multiplex Ligation-Dependent Probe Amplification (MLPA)

Methylation-Sensitive Mobility Shift Assay (MSMSA)

SNP Genotyping



GeneScan™ 600 LIZ® denatured fragment lengths (nt): 36 fragments

20	120	220	314	414	514
40	140	240	320	420	520
60	160	250	340	440	540
80	180	260	360	460	560
100	200	280	380	480	580
114	214	300	400	500	600

技術諮詢

- 位址: 台大醫學院 14 樓 1444 室
- 電話: 02-23123456 分機 88377
- 聯絡人: 階孟書
- 電子信箱: dnaseq@ntu.edu.tw
- 網址: http://140.112.8.242/DNASC/

本期編輯: 核酸定序核心實驗室 階孟書
編輯委員: 鄧述諄 詹迺立 吳明賢 林淑華 林泰元